

Programme — Journées de biostatistique

Organisées par les groupes GDR Statistiques et Santé, SFB & SFDS Biopharmacie & Santé

17 & 18 novembre 2022 – INSA Rennes

Format des présentations :

- orateurs invités : 35 min + 10 min de questions ;
- orateurs sélectionnés par les organisateurs : 20 min + 10 min de questions.

Journée 1 — jeudi 17 novembre 2022

9 h 00 – 9 h 15	Introduction par les présidents GDR, SFB & SFdS - Biopharmacie et Santé	
Session 1 : Modèle conjoint		
9 h 15 – 10 h 00	Cécile PROUST-LIMA (Invitée)	Analysis of multivariate longitudinal and survival data: from joint models to random forests
10 h 00 – 10 h 30	<i>— pause —</i>	
10 h 30 – 12 h 00	Alexandra LAVALLEY-MORELLE	Modèle joint multivarié avec risques compétitifs pour prédire le risque de décès des patients hospitalisés pour infection au SARS-COV-2
	Léonie COURCOUL	Modèle conjoint avec variance hétérogène : étude de l'impact de la variabilité de la pression artérielle sur le risque d'AVC
	Tiphaine SAULNIER	<i>4-step longitudinal analysis of latent traits derived from measurement scales in chronic diseases : quality-of-life in multiple system atrophy</i>
12 h 00 – 13 h 00	<i>— pause déjeuner —</i>	
13 h 00 – 14 h 00	<i>Assemblée générale de la Société française de biométrie</i>	
14 h 00 – 14 h 30	<i>Assemblée générale du groupe « Biopharmacie & Santé » de la SFDS</i>	
Session 2 : Machine learning		
14 h 30 – 15 h 15	Marc CUGGIA (Invité)	Analyse distribuée des entrepôts de données de santé des établissements de santé
15 h 15 – 15 h 45	<i>— pause —</i>	
15 h 45 – 17 h 45	Oriane Bretin	<i>Clustering of diabetes treatment trajectories</i>
	Ariane CWILING	<i>Machine learning for survival data prediction: Prediction of the restricted mean survival time</i>
	Judith LAMBERT	Suivi temporel de clusters de patients pour extraire les informations à partir des bases de données médico-administratives
	Coriande CLEMENTE	Une approche de traitement du langage naturel (NLP) pour automatiser l'analyse de témoignages de patients

Journée 2 — vendredi 18 novembre 2022

Session 3 : Médecine de précision

9 h 00 – 10 h 30	Thibaud CHARRIER	<i>Increased Cardiac Risk After a Second Malignant Neoplasm Among Childhood Cancer Survivors, a FCCSS Study</i>
	Émilien JEMELLEN & EMILIE GERARD	<i>The Endotypes* Discovery pipeline, a powerful tool in R language for patients stratification using high-dimensional omics data</i>
	Lisa MOUNIER	Revue et comparaison de méthodes pour l'identification de facteurs pronostiques sur petits échantillons — Un exemple sur une étude de vie réelle

10 h 30 – 11 h 00 — *pause* —

Session 4 : Données de la vie réelle

11 h 00 – 12 h 15	Nicolas SAVY	<i>Consortium : Santé in silico</i>
	Juliette MURRIS	Introduction aux événements récurrents en grande dimension
	Julie FENDLER	<i>Bayesian hierarchical approach to account for radon exposure measurement error when estimating the risk of death by lung cancer in an occupational cohort study</i>

12 h 15 – 13 h 30 — *pause déjeuner* —

Session 5 : Designs innovants

13 h 30 – 14 h 15	Sarah ZOHAR (Invitée)	<i>Challenges dans l'évaluation des dispositifs médicaux numériques basés sur l'I. A. dans l'évaluation clinique et les designs d'essais cliniques à réinventer</i>
-------------------	---------------------------------	---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------

14 h 15 – 14 h 30 — *pause* —

14 h 30 – 16 h 00	Émilie JOUNOT	Le <i>design</i> adaptatif dans les essais cliniques : évaluation de méthodes de randomisation
	Jules BERTIN	Exploration de la puissance de l'approche par graphe disjoint de l'analyse des données compositionnelles
	Alison ANTOINE	Utilisation des données de vie réelle pour estimer l'effet traitement en cancérologie : émulation du protocole de l'essai randomisé E2100 à partir de la base nationale ESME
