

## FICHE DE POSTE – Ingénieur en traitement de données biologiques

<p><b>Numéro du profil :</b> A2A21  <b>Emploi :</b> Ingénieur en traitement de données biologiques  <b>BAP :</b> A  <b>Corps :</b> Ingénieur d'études          Durée 8 mois à partir de Septembre 2017</p>	<p><b>Entité de rattachement :</b> PHASE  <b>Centre de recherche :</b> Centre Auvergne Rhône Alpes  <b>Unité d'affectation :</b> 1213 UMRH  <b>Adresse du site d'affectation :</b> Theix</p>
--	--

**Directeur de l'unité :** Isabelle VEISSIER  
**Chef de service :** Muriel BONNET, muriel.bonnet@inra.fr  
**Responsable direct :** Brigitte Picard, brigitte.picard@inra.fr

### DESCRIPTION DE L'EMPLOI

**Libellé de l'emploi :** Ingénieur

**Définition de l'emploi :** Traitement et analyse statistiques de données

**Environnement et contexte de travail :** L'ingénieur recruté évoluera au sein de l'Unité Mixte de Recherches sur les Herbivores et plus particulièrement au sein de l'équipe Biomarqueurs qui a pour objectifs de comprendre les mécanismes d'élaboration des caractères de production maximisant l'efficacité de production des ruminants lait/viande et de concevoir et proposer des outils de phénotypage de ces caractères de production, basés sur la détection et la mesure de marqueurs moléculaires. Son travail s'intègre dans le projet de recherche Pré-PILOTaGE visant à la prédiction de la tendreté/adiposité de la viande bovine.

Ses interlocuteurs seront deux scientifiques de l'équipe, des enseignant-chercheurs en biostatistique de l'université de mathématiques de Clermont-Ferrand et de l'INRIA de Bordeaux.

**Mission :**

Identifier des protéines dont l'abondance diffère entre des groupes d'échantillons de tendreté ou adiposité forte versus faible, puis établir et valider des équations de prédictions de la tendreté et de l'adiposité à partir de données d'abondance de protéines et de qualité de viande mesurées dans le projet Pré-PILOTaGE.

**Activités principales :**

Mise en relation de données par des méthodes statistiques complexes (multivariées). L'agent devra produire des équations de prédiction à partir des dernières données moléculaires obtenues dans ce projet. L'agent devra définir les champs d'application des équations. Enfin, une présentation des résultats (données individuelles, modèles statistiques, tableaux) sous forme d'un rapport synthétique sera rédigé.

### SAVOIRS GENERAUX, SAVOIR-FAIRE ET SAVOIR-ETRE

- Savoirs généraux**
- M2 Biostatistique
  - Connaissance approfondie des méthodes de statistiques multivariées
  - Connaissance générale dans le domaine des sciences de la vie lié aux études
  - Bonne compréhension de l'anglais écrit.
- Savoir-faire**
- Bonne maîtrise des principaux logiciels de statistiques (SAS et R), de fouilles de données, de calcul scientifique
  - Savoir dépouiller, analyser et choisir les méthodes d'analyses des données les plus pertinentes
- Savoir-être**

- Capacité de travail en équipe et sens de la communication
- Bonne communication avec à la fois des mathématiciens et des biologistes