

Identification des bio-marqueurs de bon pronostic au sein de la cohorte ANRS-CirVir

Encadrant/Contact : Jérémie Riou (Maître de Conférence en Biostatistiques, Université d'Angers, Laboratoire MINT INSERM U1066 CNRS 6021, Institut Biologie Santé PBH-IRIS, CHU 4 rue Larrey, 49933 Angers Cedex) –

jeremie.riou@univ-angers.fr

Laboratoire d'accueil : HIFIH | UPRES EA 3859, Université d'Angers, Institut Biologie Santé PBH-IRIS, CHU 4 rue Larrey, 49933 Angers Cedex

Contexte: Environ 3% de la population mondiale (180 millions d'individus) est atteint d'une hépatite C chronique. L'arrivée sur le marché il y a cinq ans des nouveaux traitements antiviraux C sans interféron laisse entrevoir la possibilité d'une éradication de ce virus. Les dernières combinaisons de molécules permettent une éradication du virus dans environ 99% des cas après un traitement oral quotidien de 12 semaines [1,2].

Chez ces patients, une fois traités, le risque de complications hépatiques devient très faible. Cependant, la surveillance semestrielle de ces patients reste toujours recommandée.

Devant ce constat, il nous paraît intéressant de pouvoir identifier les caractéristiques associées aux bons et mauvais pronostics afin de moduler ce suivi.

Pour ce faire, nous allons travailler sur la cohorte ANRS-CirVir. Entre mars 2006 et juin 2012, 1672 patients ayant une cirrhose virale B ou C ont été inclus. Cette cohorte nous permet d'avoir un suivi semestriel comportant notamment une bio-thèque avec des prélèvements sanguins, permettant la prise en compte du suivi longitudinal de certains bio-marqueurs.

Parmi les 490 patients atteints de cirrhose virale C, et pour lesquels le virus de l'hépatite C a été éradiqué grâce aux traitements antiviraux, 37 ont développé au cours de leur suivi au moins une complication hépatique. **L'objectif de ce stage consiste donc à identifier les bio-marqueurs associés au bon pronostic des patients traités par antiviraux C.**

Ce stage sera réalisé au sein du laboratoire de recherche HIFIH associé au service d'Hépatologie du CHU d'Angers. Ce stage pourra éventuellement déboucher sur un recrutement en CDD au sein du laboratoire de recherche.

Compétences requises: L'étudiant recruté devra posséder une bonne connaissance et une appétence pour la **modélisation de données de survie**, ainsi que la **modélisation de données longitudinales**. Le stage comprendra également une partie de **Data-Management**. L'ensemble de ce stage se fera sous le logiciel R, il est donc important que l'étudiant maîtrise cet outil.

Durée : 6 mois, débutant entre Janvier et Avril 2019

Gratification de stage: Environ 550 euros/mois

Références :

1. Feld JJ, Jacobson IM, Hezode C, Asselah T, Ruane PJ, Gruener N, et al. Sofosbuvir and Velpatasvir for HCV Genotype 1, 2, 4, 5, and 6 Infection. N Engl J Med 2015;373:2599-2607.
2. Foster GR, Afdhal N, Roberts SK, Brau N, Gane EJ, Pianko S, et al. Sofosbuvir and Velpatasvir for HCV Genotype 2 and 3 Infection. N Engl J Med 2015;373:2608-2617.